

RESPUESTA DEL GOBIERNO

(184) PREGUNTA ESCRITA CONGRESO

184/15006

05/06/2020

36242

AUTOR/A: UTRILLA CANO, Julio (GVOX); BORRÁS PABÓN, Mireia (GVOX)

RESPUESTA:

En relación con la pregunta de referencia, se informa que el estudio ENE-Covid19, impulsado por el Ministerio de Sanidad, apoyado por el Ministerio de Ciencia e Innovación y coordinado por el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII), con la participación de las Comunidades Autónomas y en colaboración con el Instituto Nacional de Estadística (INE), es un amplio estudio longitudinal sero-epidemiológico, de base poblacional, cuyos objetivos son estimar la prevalencia de infección por SARS-Cov2 mediante la determinación de anticuerpos frente al virus en España y evaluar su evolución temporal.

El estudio comenzó el pasado 27 de abril con la selección de participantes y el pasado 6 de julio se hicieron públicos los resultados de la tercera ronda del estudio.

En las tres rondas de ENE-COVID (los pasados meses de abril, marzo y junio) se ha estimado una prevalencia de anticuerpos de un 5,0% en la primera ronda, de 5,2% en la segunda y de 5,2% en la tercera ronda. En todas ellas la prevalencia es similar en hombres y mujeres. La prevalencia es menor en bebés y niños, con moderadas diferencias entre grupos de más edad.

Se puede consultar el estudio completo a través del siguiente enlace:

<https://www.isciii.es/Noticias/Noticias/Paginas/Noticias/ENECOVID19resultadosfinales.aspx>

Los resultados de este estudio podrán compararse con los de estudios que se están realizando en otros países. Además, varios proyectos de investigación puestos en marcha están integrando datos de diferentes países, por lo que se podrá disponer de resultados comparados cuando se comuniquen las conclusiones de los distintos estudios.



Por lo que se refiere a la segunda cuestión, se informa que diferentes centros biomédicos y sanitarios españoles están secuenciando el RNA del SARS-CoV-2.

El FONDO COVID-19 del ISCIII está financiando varios proyectos de diferentes Comunidades Autónomas en los que se incluye, entre sus objetivos, la secuenciación del virus. Cabe esperar secuenciar varios miles de cepas de este virus en los próximos meses.

Además, es preciso señalar que científicos del Laboratorio de Referencia e Investigación de Virus Respiratorios del Centro Nacional de Microbiología (CNM) del ISCIII están realizando la secuenciación completa del nuevo coronavirus SARS-CoV-2, gracias al uso de muestras respiratorias de pacientes procedentes de diferentes áreas geográficas de España. Su trabajo, al aportar una secuencia muy completa y sin indeterminaciones, permitirá conocer mejor las características del virus, analizar pequeños cambios específicos que definen su comportamiento y comprender mejor su circulación y difusión entre la población.

El estudio de secuenciación se ha realizado directamente sobre muestras clínicas del virus (no con cultivos de laboratorio) y permite observar un mapa de la circulación y características de circulación del virus por toda España.

El conocimiento que se tiene hasta ahora del virus revela que las secuencias del SARS-CoV-2 se agrupan en 9 clados distintos. Los clados son grupos filogenéticos que definen la evolución biológica de un organismo y, en ellos, se pueden observar las diferencias genéticas de los coronavirus circulantes de todo el mundo, que explican cómo actúa y se comporta. Según han determinado los investigadores del CNM, las secuencias españolas del SARS-CoV-2 se han relacionado en 3 clados diferentes.

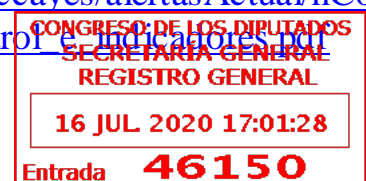
Es posible acceder a esta información a través del siguiente enlace de la página web del ISCIII:

<https://www.isciii.es/Noticias/Noticias/Paginas/Noticias/SecuenciacionCompletaCoronavirusCNM.aspx>

Por último, se informa que la detección de una posible nueva epidemia debe realizarse mediante la vigilancia continua de la población, con refuerzo de los sistemas de diagnóstico y seguimiento de casos.

Esta estrategia ya se realiza en la actualidad y puede consultarse a través del siguiente enlace:

https://www.msrebs.gob.es/profesionales/saludPublica/ccayes/alertasActual/nCoV-China/documentos/COVID19_Estrategia_vigilancia_y_control





La predicción de la fecha de una nueva ola debe basarse en la vigilancia diaria de nuevos casos, ya que no existe un histórico (como en el caso de la gripe) que permita modelizar con fiabilidad la evolución de la pandemia.

Madrid, 16 de julio de 2020