



RESPUESTA DEL GOBIERNO

(184) PREGUNTA ESCRITA CONGRESO

184/11110

29/04/2020

24977

AUTOR/A: RUEDA PERELLÓ, Patricia (GVOX); DE LAS HERAS FERNÁNDEZ, Patricia (GVOX); ESTEBAN CALONJE, Cristina Alicia (GVOX); VEGA ARIAS, Rubén Darío (GVOX); FERNÁNDEZ RÍOS, Tomás (GVOX); FIGAREDO ÁLVAREZ-SALA, José María (GVOX)

RESPUESTA:

En relación con la iniciativa de referencia, se señala que el Gobierno va a seguir trabajando sin descanso, como ha hecho desde que se tuvo conocimiento del virus, para proteger la salud de los ciudadanos.

Cuando la Organización Mundial de la Salud (OMS) declaró el COVID 19 como una Emergencia de Salud Pública de Importancia Internacional, el 30 de enero, España ya cumplía con todas sus recomendaciones.

Cuando el ECDC propuso medidas de distanciamiento social, el 12 de marzo, España ya las había implantado.

El 14 de marzo se declaró el Estado de Alarma. El sacrificio que ello ha implicado para la ciudadanía, ha dado sus frutos.

La evolución positiva permitió impulsar el Plan para la Transición hacia una Nueva Normalidad, que el Consejo de Ministros aprobó el pasado martes 28 de abril.

Con respecto al trabajo científico, publicado el 20 de abril de 2020, al que se hace referencia en la exposición de motivos se indica de lo siguiente:

- Es un estudio que muestra los resultados preliminares del análisis filogenético de SARS-CoV-2 en España.



- Para esto se utilizaron las secuencias completas de 28 cepas del virus aisladas en España.
- El estudio publicado comparó las secuencias de estas 28 cepas con las secuencias de cepas de otros lugares del mundo publicadas en diferentes bases de datos.
- Se analizaron conjuntamente y se estimó dónde estaba el ancestro común más probable de las cepas aisladas en España, así como su posible origen temporal mediante técnicas filodinámicas basadas en la divergencia de las secuencias analizadas.
- Este análisis permitió estimar el origen temporal de los primeros casos en España (febrero 2020), fecha que es sólo un resultado preliminar que debe confirmarse con la secuenciación completa del genoma de cientos de cepas que ya se está realizando en el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) y en otros centros biomédicos españoles.

Información adicional sobre este estudio puede ser consultada en el siguiente enlace: <https://doi.org/10.1101/2020.04.20.050039>

Madrid, 02 de junio de 2020

